

# 《观测指标逻辑命名与代码系统V2.19》

## 图书基本信息

书名：《观测指标逻辑命名与代码系统V2.19》

13位ISBN编号：9787811165937

10位ISBN编号：7811165937

出版时间：2008-8

出版社：北京大学医学出版社

页数：1821

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介以及在线试读，请支持正版图书。

更多资源请访问：[www.tushu000.com](http://www.tushu000.com)

## 前言

观测指标逻辑命名与代码系统(Logical Observation Identifiers Names and Codes, LOINC), 最初由美国电子病历研究与开发的先驱者之一克莱姆·麦克唐纳教授(Clem McDonald)于1995年发起, 在美国疾病控制与预防中心(CDC)、美国医疗保健政策研究署(AHCPR)、美国国立医学图书馆(NLM)等资助下, 由美国印第安纳州雷根斯特里夫(Regenstrief)研究院承担所有的LOINC数据库及其底层支持文档的开发和维护工作, 进展迅速, 目前应用非常广泛。2003年3月, 美国卫生部、国防部, 退役军人事务部联合宣布了美国联邦政府将采用首套统一的临床医疗卫生电子信息交换标准, 其中与医疗卫生数据处理相关的所有联邦政府机构都将采用LOINC的实验室部分来实现临床实验室结果电子信息交换的标准化。2004年5月, 美国正式宣布采纳包括LOINC在内的15项卫生信息标准, 为实现美国总统布什许诺的10年内大多数美国人拥有自己的电子健康档案(EHR)奠定了坚实的基础。在美国, 很多诊所、医院或医学院校的实验室都使用LOINC标准来传输和交换实验室检验结果。LOINC与其他医学信息学标准的联合, 如HL7, SNOMED, CPT, UMLS等, 也彰显了其重要的地位与作用。LOINC已经成为目前国际上应用非常广泛的实验室代码系统。LOINC的目标是促进相互独立的计算机系统之间实现临床数据的交流与沟通, 包括机构内部的数据共享(不同系统之间)和机构之间的数据共享, 如公共卫生信息上报、各种临床研究数据整理等。

# 《观测指标逻辑命名与代码系统V2.19》

## 内容概要

《观测指标逻辑命名与代码系统V2.19》主要分为三部分介绍：第一部分LOINC用户指南主要讲解了LOINC用户的目标、试验 / 观测指标名称的主要组成部分及在过程中可能遇到的特殊情况等内容；第二部分主要介绍了RELMA用户指南；第三部分则重点介绍了LIONC数据库。书后附有核心词典，便于读者阅读。

# 《观测指标逻辑命名与代码系统V2.19》

## 作者简介

作者：(美国)麦克唐纳 (McDonald Clem) Stan Huff 译者：梁铭会 俞汝龙

## 书籍目录

|       |                   |           |                       |       |                      |                           |
|-------|-------------------|-----------|-----------------------|-------|----------------------|---------------------------|
| 第一部分  | LoINC用户指南         | 版权声明与许可协议 | 前言与简介                 | 致谢    | 1 目标                 | 1.1 成功应用                  |
| 1.2   | 不属于LOINC名称组成部分的内容 | 1.3       | 本指南的适用范围              | 2     | 试验 / 观测指标名称的主要组成部分   | 2.1 一般命名规则                |
| 2.1.1 | 成分 / 分析物名称中的缩略语   | 2.1.2     | 全称中成分 (分析物) 部分的一般命名规则 | 2.1.3 | 分析物名称中的标点符号          | 2.1.4 字母不区分大小写            |
| 2.1.5 | 罗马数字与阿拉伯数字        | 2.2       | 成分 / 分析物 (第一部分)       | 2.2.1 | 分析物名称 (第一子块)         | 2.2.2 刺激试验 (第二子块)         |
| 2.2.3 | 调整 / 校正 (第三子块)    | 2.2.4     | 以试验名称区分多值型试验 (第四子块)   | 2.3   | 属性类型 (又称量值类型) (第二部分) | 2.4 时间特征 (时刻与时间间隔) (第三部分) |
| 2.4.1 | 时间特征的修饰成分         | 2.5       | 体系 (样本) 类型 (第四部分)     | 2.5.1 | 超体系 (第二子块)           | 2.6 标尺类型 (第五部分)           |
| 2.7   | 方法类型 (第六部分)       | 2.7.1     | DNA / RNA探针 / 指标      | 2.7.2 | 免疫荧光 (IF)            | 2.7.3 免疫染色                |
| 2.7.4 | 酶免疫分析 (EIA)       | 2.7.5     | 凝血功能试验                | 2.7.6 | 染色试验检查               | 2.7.7 临床指标                |
| 2.7.8 | 成像检查              | 2.8       | 短小实用的简称               | 3     | 特殊情况                 | 3.1 被看作变量或数值的结果           |
| 3.1.1 | 结果取值              | 3.1.2     | 可变性或多项选择性结果的标识方法      | 3.2   | 血库                   | 3.2.1 成组结果的报告             |
| 3.2.2 | 多项选择型结果的报告        | 3.3       | 免疫活性检查 (流式细胞仪)        | 3.4   | 微生物学结果的一般处理方法        | 3.5 抗生素敏感性试验              |
| 3.6   | 细胞计数              | 3.7       | 皮肤试验                  | 3.8   | 毒理学—药物滥用的筛查与确认       | 3.8.1 药物的毒理学分组            |
| 3.8.2 | 判断界值              | 3.8.3     | 筛查与确认方法的报告            | 3.8.4 | 具体药物 / 代谢物的检测结果      | 3.8.5 命名问题                |
| 3.8.6 | 小结                | 3.9       | 分子遗传学方面的LOINC命名       | 3.9.1 | 引言                   | 3.9.2 术语学                 |
| 3.9.3 | 分子遗传学一般命名规则       | 3.9.4     | 传染性疾病                 | 3.9.5 | 遗传性疾病                | 3.9.6 三核苷酸重复序列            |
| 3.9.7 | 血液病理学基因重组         | 3.9.8     | 基因易位                  | 3.9.9 | 身份测试                 | 3.9.10 肿瘤相关的肿瘤遗传学         |
| 3.10  | 变态反应的检测           | 4         | 临床观测指标                | 4.1   | 引言                   | 4.2 原子型与分子型 (前组合式命名)      |
| 4.3   | 放射医学报告            | 4.3.1     | 诊断性放射医学报告             | 4.3.2 | 介入性放射医学报告            | 5 肿瘤登记                    |
| 6     | 索赔信息附件            | 7         | HL7 LOINC文档类型词表域      | 7.1   | 文档类型代码在HL7消息中的使用     | 7.2 与其他术语的关系              |
| 7.3   | 文档类型成分            | 7.4       | 采用多个成分创建临床记录的规则       | ..... | 第二部分                 | RELMA用户指南                 |
| 第三部分  | LOINC数据库附录        | 核心词典      |                       |       |                      |                           |

## 章节摘录

1.3本指南的适用范围当前，LOINC数据库中现有实验室部分的内容包括临床实验室所报告的所有观测指标。其中的专业领域包括化学、血液学、血清学、血库、微生物学、细胞学、手术病理学及生殖医学。其中，化学还涵盖了治疗药物监测与毒理学。同时，本数据库还收录了大量的兽医学术语。此外，还收录了结果解释通常所需要的，并且往往与实验室观测指标一同报告的那些非试验型检测指标。例如：宫颈涂片有关指标：月经周期的分期或雌激素的使用。动脉血气分析有关指标：吸入氧。药代动力学中药物浓度的有关指标：剂量。血库有关指标：所分发的血液制品单位的数量。2000年6月发布的LOINC数据库中包括了我们对于医嘱组（套餐医嘱；见3.10节）方面的首次尝试结果。现有LOINC代码可能总用于申请具体的试验观测指标，但在2000年之前，尚没有建立用LOINC代码去申请一套观测指标的机制。当前，我们只是提出了自然形成时就是组套形式（如尿液分析）的，或由某一国家机构确定的观测指标组套。比如，HCFA于2000年确定的基础代谢医嘱组(BASIC METABOLIC HCFA 2000PANEL)，就属于后一种情况。

# 《观测指标逻辑命名与代码系统V2.19》

## 编辑推荐

《观测指标逻辑命名与代码系统V2.19》由北京大学医学出版社出版。

## 版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:[www.tushu000.com](http://www.tushu000.com)