

《医学遗传统计分析 with SAS 应用》

图书基本信息

书名：《医学遗传统计分析 with SAS 应用》

13位ISBN编号：9787117139045

10位ISBN编号：7117139048

出版时间：2011-2

出版社：胡良平、郭晋 人民卫生出版社 (2011-02出版)

页数：259

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介以及在线试读，请支持正版图书。

更多资源请访问：www.tushu000.com

《医学遗传统计分析方法与SAS应用》

内容概要

《医学遗传统计分析方法与SAS应用》介绍了医学遗传数据的统计分析方法与SAS实现、简明遗传学的基本概念和原理以及医学遗传统计分析的计算原理。详细介绍了如何使用SAS / Genetics模块和其他相关模块实现统计计算、输出结果的解释，并结合具体问题、统计和专业知识，作出令人信服的专业结论。对医学遗传资料，首先应根据分析目的、资料所具备的前提条件正确判断其数据结构，从而选择分析方法并准确地向SAS / Genetics中录入数据。《医学遗传统计分析方法与SAS应用》第1章对遗传数据结构做了详细介绍；而后针对拟分析的遗传资料，由简单到复杂的顺序，介绍各种遗传统计分析方法及遗传数据分析的SAS实现：基因、基因型频率的测定、哈代-温伯格平衡定律的验证；连锁不平衡检验、单体型分析；一般人群病例对照遗传数据分析；遗传结果比较与校正；家系数据分析、连锁分析、芯片数据的分析和物种遗传关系确定分析等。《医学遗传统计分析方法与SAS应用》最后还提供了SAS / Genetics中全部过程的语法结构和用法简介以及与遗传有关的基本概念和基础知识，供读者参考。

《医学遗传统计分析方法与SAS应用》能满足基础医学科研人员、生物试验室人员对遗传资料、遗传试验数据分析的需要，可作为高等院校遗传专业研究生工具书，也可作为医学院校、高等院校生物系本科生和研究生参考书，适用于遗传专业、生物医学专业和统计专业学者学习和借鉴。

《医学遗传统计分析 with SAS 应用》

作者简介

胡良平，教授，博士生导师，现任军事医学科学院生物医学统计学咨询中心主任，国际一般系统论研究会中国分会概率统计系统专业理事会常务理事，第八届中国现场统计研究会理事，中国生物医学统计学会副会长，《中华医学杂志》等10余种杂志编委，北京大学口腔医学院客座教授，国家食品药品监督管理局评审专家；主编统计学专著21部，参编统计学专著8部，发表第一作者学术论文160余篇，发表合作论文100余篇，获军队科技成果和省部级科技成果多项；在从事统计学工作的20余年中，为几千名研究生、医学科研人员、临床医生和杂志编辑讲授生物医学统计学，在全国各地作统计学学术报告100余场，举办十余期全国统计学培训班，培养多名统计学专业硕士和博士研究生；近几年来，参加国家级新药和医疗器械项目评审数十项；归纳并提炼出“八性”和“八思维”的统计学思想；独创了逆向统计学教学法和统计学三型理论。

《医学遗传统计分析 with SAS 应用》

书籍目录

第1篇 医学遗传统计分析实例分析与SAS实现第1章 医学遗传资料数据结构与分析方法选择1.1 一般人群实验研究的数据结构1.1.1 位点基因型数据结构1.1.2 一般人群病例.对照研究单个位点基因型数据结构1.1.3 一般人群病例.对照研究多个位点基因型数据结构1.2 家系实验研究数据结构1.2.1 家系病例一对对照研究数据结构1.2.2 单个家系研究的数据结构1.3 基因芯片数据结构1.4 物种遗传关系确定分析的数据结构1.5 小结第2章 Hardy-Weinberg平衡定律验证的SAS实现2.1 验证哈代温伯格平衡定律是否成立的实例计算与SAS实现2.2 小结第3章 病例对照研究关联分析的SAS实现3.1 一般人群作病例一对对照研究关联分析的SAS实现3.1.1 χ^2 检验与Armitage检验的实例分析与SAS实现3.1.2 高维表资料CMH χ^2 检验、CMH校正的秩和检验的SAS实现3.1.3 高维表资料对数线性模型分析的SAS实现3.1.4 Logistic回归分析的SAS实现3.2 家系病例.对照研究关联分析的SAS实现3.3 小结第4章 遗传分析结果校正和输出的SAS实现4.1 遗传分析结果校正的实例分析与SAS实现4.2 结果图形输出的SAS实现4.3 小结第5章 连锁不平衡与单体型分析的SAS实现5.1 单体型频率估计与连锁不平衡分析的SAS实现5.1.1 两位点估计的实例分析与所对应的SAS实现5.1.2 多位点估计实例分析与所对应的SAS实现5.2 多位点基因型与疾病关联研究实例分析与SAS实现5.3 标签SNP的确认实例分析与SAS实现5.4 单体型与疾病关联的回归分析与SAS实现5.5 小结第6章 近交系数和亲缘系数估算的SAS实现6.1 通过实例展示近交系数和亲缘系数的估算方法6.2 小结第7章 遗传资料连锁分析的SAS实现7.1 三代家系两位点连锁分析的SAS实现7.2 多位点连锁分析及遗传图谱构建的SAS实现7.3 小结第8章 基因芯片数据分析的SAS实现8.1 数据来源、数据结构与分析流程8.2 差异表达基因的筛选8.3 样品聚类分析方法8.4 判别分析8.5 变量聚类分析8.6 主成分分析.....第二篇 简明遗传学基本概念与原理第三篇 医学遗传统计分析的计算原理附录

章节摘录

版权页：插图：

《医学遗传统计分析与SAS应用》

编辑推荐

《医学遗传统计分析与SAS应用》由人民卫生出版社出版。

《医学遗传统计分析 with SAS 应用》

精彩短评

- 1、对遗传统计学分析的方法学方面介绍比较详细，很实用。不足之处是文字不够严谨，作为专著，书写严谨些更好。
- 2、冲着胡良平的大名买的书，没想到他的书世越来越垃圾，越来越象为编书而编书。举例是同样的例子举N个，一样的程序去算，也不说出为什么这么算，很有凑数的嫌疑。认真写书的作者，是越来越熊猫了
- 3、这书有很多内容与其它的书重复

《医学遗传统计分析 with SAS 应用》

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：www.tushu000.com