

《人类遗传连锁分析(修订版)》

图书基本信息

书名：《人类遗传连锁分析(修订版)》

13位ISBN编号：9787810027229

10位ISBN编号：7810027220

出版时间：1995-09

出版社：中国农业大学出版社

作者：欧特(美)

页数：182

译者：杨达

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介以及在线试读，请支持正版图书。

更多资源请访问：www.tushu000.com

《人类遗传连锁分析(修订版)》

内容概要

本书简介

《人类遗传连锁分析》（修订版）一书是美国哥伦比亚大学泽格·欧特（Jurg Ott）教授所著。经约翰·霍普金斯大学出版社（The Johns Hopkins University Press）同意，由北京农业大学杨达博士翻译成中文。原出版社同意中文版自首次发行日期起，四年内可在中国大陆、台湾和香港发行与销售。

全书系统地介绍了遗传连锁分析的原理与方法，内容深入浅出，引用文献资料丰富，是目前国内生物学、医学、农学、畜牧学等专业高等院校不可多得的教材。主要读者对象是上述有关专业的科技人员、教师、研究生。本书也可作为生命科学中其他专业人员以及大学本科学生的参考书。

书籍目录

目录

第一章 普通遗传学与细胞遗传学基础

- 1.1 孟德尔遗传学
- 1.2 重组与遗传连锁
- 1.3 连锁群与同体
- 1.4 交换与图距
- 1.5 图距函数
- 1.6 人类染色体

第二章 基因与遗传多态

- 2.1 基因的术语与特征
- 2.2 多态性程度
- 2.3 血液细胞抗原
- 2.4 血液蛋白
- 2.5 DNA多态性和基因组研究
- 2.6 染色体形态学的变异
- 2.7 人类基因组的标记基因复盖率

第三章 统计推断方法

- 3.1 似然率
- 3.2 最大似然率估计
- 3.3 最大似然率估计的统计性质
- 3.4 显著性检验
- 3.5 似然率法
- 3.6 区间估计
- 3.7 贝叶斯定理

第四章 连锁分析方法

- 4.1 连锁分析简史
- 4.2 的先验与后验分布
- 4.3 似然分数法
- 4.4 检验连锁
- 4.5 等量观察值
- 4.6 简单家系类型的严格检验
- 4.7 多重比较
- 4.8 家系资料的似然率
- 4.9 非参数方法
- 4.10 若干特殊方法

第五章 家系资料的信息量

- 5.1 信息量的度量
- 5.2 期望似然分数
- 5.3 期望信息
- 5.4 交配类型
- 5.5 两个等位基因的双杂交
- 5.6 多于两等位基因的双杂交
- 5.7 已知相双回交
- 5.8 两子女未知相双回交
- 5.9 多于两子女的未知相双回交
- 5.10 发现连锁所需要的观察值数

第六章 多位点连锁分析

- 6.1符号与术语
- 6.2三点分析
- 6.3两子女的未知相三回交
- 6.4干扰
- 6.5多位点图距函数
- 6.6排列位点
- 8.7完全干扰下的定位
- 6.8其它方法方面的问题
- 第七章 表现率
 - 7.1表现率的定义
 - 7.2不完全表现率的代价
 - 7.3估计表现率与重组率
 - 7.4与年龄有关的表现率
 - 7.5影响表现率的因素
 - 7.6数量表现型
- 第八章 数值与计算机方法
 - 8.1似然分数的解析法计算
 - 8.2爱尔斯顿 - 斯图雅特法
 - 8.3连锁分析的计算机程序
 - 8.4连锁程序的特殊应用
 - 8.5连锁工具程序
 - 8.6父性计算
 - 8.7计算机模拟方法
- 第九章 重组率的变异
 - 9.1男性与女性重组率
 - 9.2重组率与年龄
 - 9.3不同家系类型的异质性
 - 9.4混合家系所产生的异质性
 - 9.5异质性的多层与混合模型
 - 9.6混合性检验中的协变量
- 第十章 不一致性
 - 10.1选择偏差
 - 10.2分类错误
 - 10.3表现率的定义错误
 - 10.4异质性的错误分类
 - 10.5系谱错误
 - 10.6其它模型定义错误
- 第十一章 疾病位点的连锁分析
 - 11.1遗传因素
 - 11.2疾病表现型
 - 11.3遗传模式
 - 11.4表现型与粒子关联
 - 11.5候选位点
 - 11.6排除定位
 - 11.7遗传风险
 - 11.8非规则分离
 - 11.9计划连锁分析
- 习题解答
- 英汉词汇对照

参考文献

《人类遗传连锁分析(修订版)》

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:www.tushu000.com